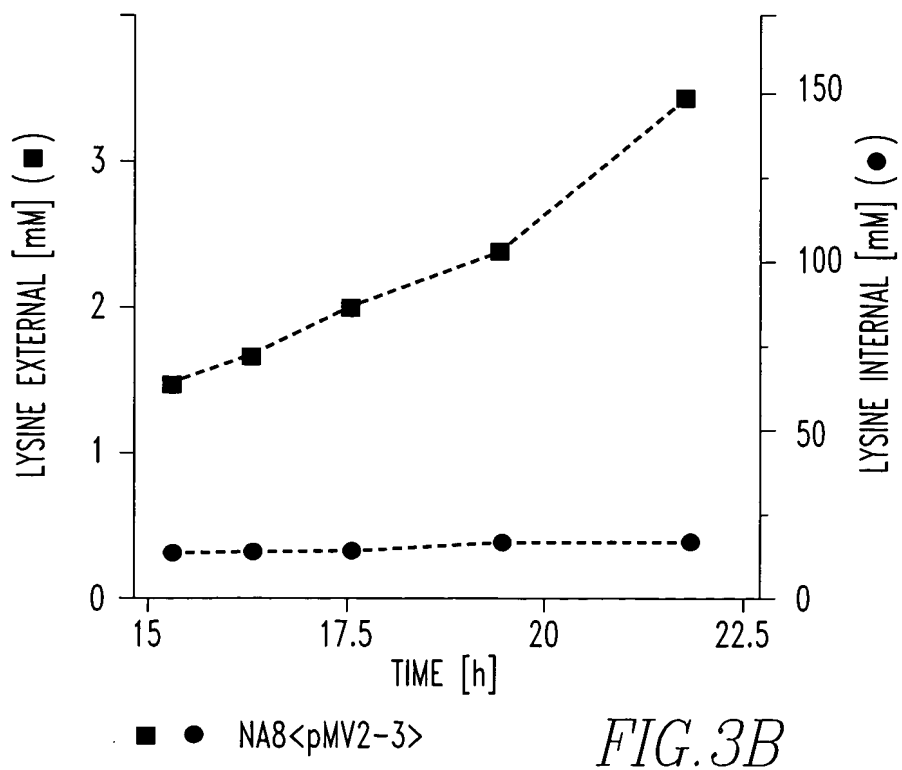
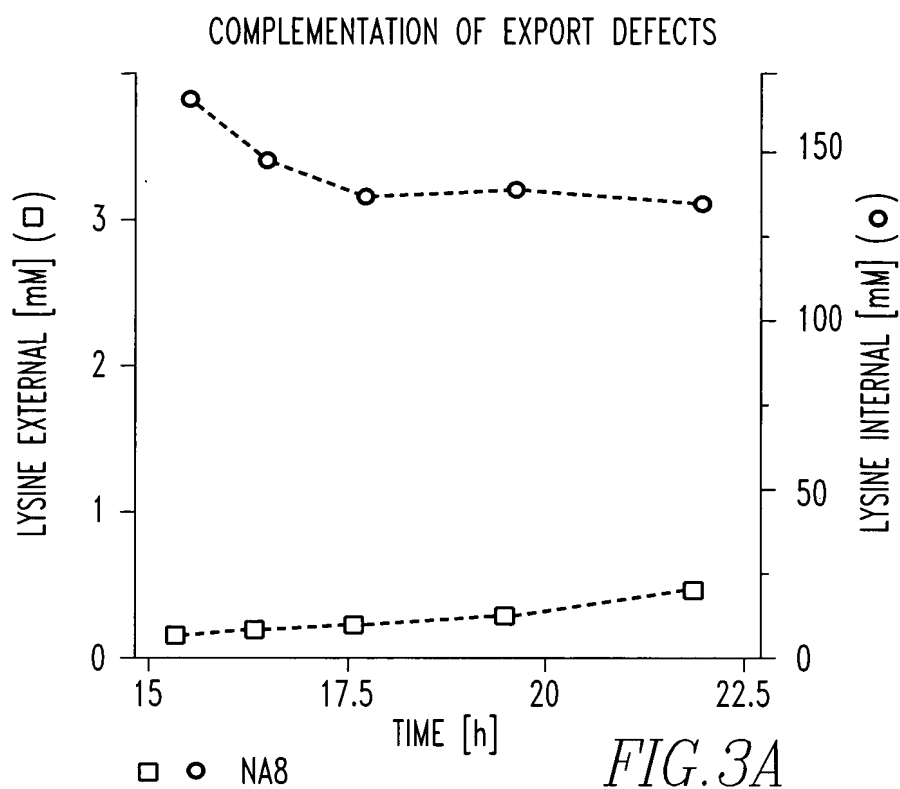


FIG.1



CgLysE	1	MVIMEIFITGLLLGSALLLSIGPQNVLVIKQGIKREGLIAVLLVCLISDV	50
		: : : : : : : : :	
EcYgga	1MILPLGPQNAFVMNQGIRQYHIMIALLCALSDL	34
CgLysE	51	FLFIAGTLGVDLLSNAAPIVLDIMRWGGIAYLLWFAVMAAKDAMTNKVEA	100
		. : : : . . : : : : : : . . : :	
EcYgga	35	VLICAGIFGGSALLMQSPWLLALVTWGGVAFLLWYGFGAFKTAMSSNIE	83
CgLysE	101	POIIEETEPTVPDDTPLGGSAVATDTRNRVRVEVSVDKORVWVKPMLMAI	150
		: : : . : : : : : : : : : : : : : : : : :	
EcYgga	84LASAEVMKQGRWK.....IIATMLAV	104
CgLysE	151	VLTWLNPNAYLDAFVFIGGVGAQYGDGTGRWIFAAGAFASLIWFPLVGFG	200
		: . . : : : : . : : : . : : : : :	
EcYgga	105	..TWLNPHVYLDTFVVLGSLGGQLDVEPKRWFALGTISASFLWFFGLALL	152
CgLysE	201	AAALSRLSSPKVWRWINVVAVVMTALAIKMLMG.....	236
		. . . : . : : . : : :	
EcYgga	153	AAWLAPRLRTAKAQRIINLVVGCVMWFIALQLARDGIAHAQALFS	197

FIG. 2



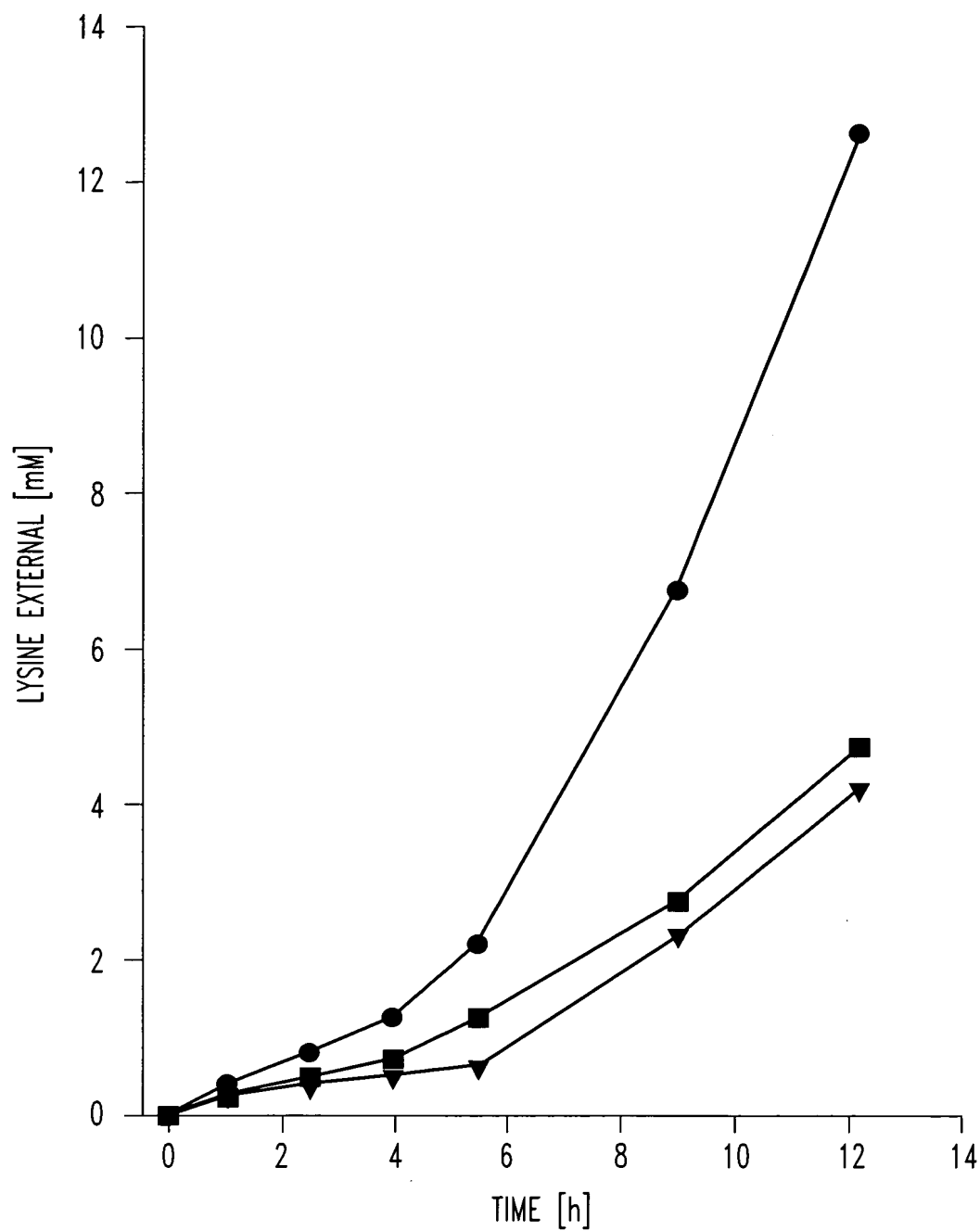


FIG. 4